

บรรณานุกรม

- ชุตตา บุญภักดี. (2544). ชีววิทยาโมเลกุล. เอกสารประกอบการสอน 306411. ภาควิชาชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยบูรพา.
- ทัวร์คอบ. (2008). แผนที่จังหวัดชลบุรี. วันที่ค้นข้อมูล 8 ธันวาคม 2551, เข้าถึงได้จาก <http://www.tourdoi.com/map/chonburi.htm>.
- นันทริกา ชันซื่อ, กฤติกา อเนกชนกุล, สุเจตนา โสคติพันธุ์ และกฤษฎา ธิรบรรพทรัพย์. (2548). การสกัดดีเอ็นเอจากเมือกในปลาอะโรวาน่า (มังกี). *The Thai Journal of Veterinary Medicine*, 36(4), 55-59.
- นฤตม พิสิฐเกษม. (2551, 26 พฤศจิกายน). สัมภาษณ์.
- พิทักษ์ สุตรอนันต์ และเสาวภา สวัสดิ์พีระ. (2549). การตรวจสอบลำดับเบสบางส่วนของ ไมโทคอนเดรียลดีเอ็นเอตำแหน่งยีน 12S และ 16S rRNA เพื่อการจำแนกชนิดของ นํ้าจอก Hippocampus โดยพีซีอาร์-อาร์เอฟแอลพี. *วารสารบูรพา*, 11(2), 39-51.
- ระบบการจัดการความปลอดภัยสารเคมีและของเสียอันตราย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย. (2552). *อันตรายของฟีนอล*. วันที่ค้นข้อมูล 10 มิถุนายน 2552, เข้าถึงได้จาก http://chemsafe.chula.ac.th/index.php?option=com_content&task=view&id=63.
- ศูนย์วิจัยกสิกรไทย. (2548). ปลาทะเลสวยงาม: การเพาะเลี้ยงเชิงพาณิชย์. *มองเศรษฐกิจ*, 11 (1679).
- สมาคมพันธุศาสตร์แห่งประเทศไทยและสถาบันส่งเสริมการสอนวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี (สสวท). (2548). *สารานุกรมชีวพันธุศาสตร์*. กรุงเทพฯ: เท็กซ์ แอนด์ เจอร์นัล พับลิเคชั่น.
- สมพร ประเสริฐส่งสกุล. (2547). พันธุศาสตร์โมเลกุล. กรุงเทพฯ: โฟร์เพช.
- สุขใจ รัตนยุวกร. (2546). พัฒนาการของเอมบริโอในปลาการ์ตูนอานม้าที่เพาะเลี้ยงได้จาก ห้องปฏิบัติการ. ใน *เอกสารการประชุมทางวิชาการของมหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ ครั้งที่ 41* (หน้า 320-328). กรุงเทพฯ: มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์.
- สุขใจ รัตนยุวกร, กรรณิกา ชัชวาลวานิช, พิสุทธิ มังกรกาญจน์ และอมรา ทองปาน. (2548). การเจริญและการพัฒนาของตัวอ่อนลาวยอ่อนในปลาการ์ตูนอานม้า (*Amphiprion polymnus* Linnaeus). รายงานการวิจัย สถาบันวิทยาศาสตร์ทางทะเล มหาวิทยาลัยบูรพา.
- สุรินทร์ ปิยะ โชคณากุล. (2545). *จีโนมและเครื่องหมายดีเอ็นเอ ปฏิบัติการอาร์เอฟดีและ เอเอฟแอลพี*. ภาควิชาพันธุศาสตร์ คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์.

สุรินทร์ ปิยะโชคณากุล. (2548). พันธุวิศวกรรมเบื้องต้น. ภาควิชาพันธุศาสตร์ คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์.

อุไรวรรณ วิจารณ์กุล. (2545). ดีเอ็นเอเทคโนโลยี. คณะวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี สถาบันราชภัฏ พิบูลสงคราม.

Allen, G.R. (1997). *Tropical Reef fishes of Thailand*. Bangkok: Asia Books.

Allen, G.R., & Fautin, D.G. (1992). *Field guide to anemone – fishes and their host sea anemones*. Western Australian Museum.

_____. (1994). *Anemonefishes and Their Host Sea Anemone*. Germany: Treta-Press.

Aghajani, A.E., Jones, K., Chapman, D., & Brunk, C. (1994) A molecular technique for identification of bacteria using small subunit ribosomal RNA sequence. *BioTechniques*, 17, 144-149.

Aktas, M., Bendele, K.G., Altay, K., Dumnli, N., Tsuji, M., & Holman, P.J. (2007). Sequence polymorphise in the ribosomal DNA internal transcribed spacer differ among *Theileria* species. *Veterinary Parasitology*, 147, 221-230.

Altschul, S.F., Gish, W., Miller, W., Myers, E.W., & Lipman, D.J. (1990). Basic local alignment search tool. *Journal of Molecular Biology*, 215, 403-410.

Altukhov, Y.P., & Salmenkova, E.A. (2002) DNA polymorphism in population genetics. *Russian Journal of Genetics*, 38, 989-1008.

Apostolidis, A.P., Loukovitis, D., & Tsigenopoulos, C.S. (2008). Genetic characterization of brown trout (*Salmo trutta*) populations from the Southern Balkans using mtDNA sequencing and RFLP analysis. *Hydrobiologia*, 600, 169-176.

Asntini, S., & Polacco, G. (2006). Finding Nemo: Molecular phylogeny and evolution of the unusual life style of anemonefish. *Gene*, 385, 19-27.

Barriga-Sosa, I.A., Perez-Ramirez, M.Y., Soto-Aguirre, F., Castillo-Rivera, M., & Arredondo-Figueroa, J.L. (2005). Inter-specific variation of the mitochondrial r16S gene among silversides, "Peces Blancos", (Atherinopsidae: Menidiinae) and its utilization for species identication. *Aquaculture*, 250, 637-651.

Beley, G., & Mori, A. (2006). Intraspecific phylogeographic mitochondrial DNA (D-loop) variation of Gelada baboon, *Theropithecus gelada*, in Ethiopia. *Biochemical Systematics and Ecology*, 34, 554-561.

- Boonphakdee, C., & Sawangwong, P. (2008). Discrimination of anemonefish species by PCR-RFLP analysis of mitochondrial gene fragments. *EnvironmentAsia*, 1, 51-54.
- Bremer, J. R., Mejuto, J., Greig, T. W., & Ely, B. (1996). Global population structure of the swordfish (*Xiphias gladius* L.) as revealed by analysis of the mitochondrial DNA control region. *Journal of Experimental Marine Biology and Ecology*, 197, 295-310.
- Brykov, V.A., Polyakova, N.E., & Podlesnykh, A.V. (2003) Divergence of mitochondrial DNA in populations of sockeye salmon *Oncorhynchus nerka* Walbaum from Azabach'e lake (Kamchatka). *Russian Journal of Genetics*, 39, 1432-1437.
- Burton, R.S. (1996). Molecular tools in marine ecology. *Journal of Experimental Marine Biology and Ecology*, 200, 85-101.
- Cameron, S. L., & Whiting, M. F. (2007). The complete mitochondrial genome of the tobacco hornworm, *Manduca sexta*, (Insecta: Lepidoptera: Sphingidae), and an examination of mitochondrial gene variability within butterflies and moths. *Gene*, 408, 112-123.
- Carrera, E., Garcia, T., Cespedes, A., Gonzalez, I., Fernandez, A., Hernandez, P.E., & Martin, R. (1999). Salmon and trout analysis by PCR-RFLP for identity authentication. *Journal of Food Science*, 64, 410-413.
- Carvalho, G.R., & Hauser, L. (1994). Molecular genetics and the stock concept in fisheries. *Review in Fish Biology and Fisheries*, 4, 326-350.
- Chapela, M.J., Sotelo, C.G., Martin, R.P., Pardo, M.A., Villareal, B.P., Gilardi, P., & Riese, J. (2007). Comparison of DNA extraction methods from muscle of canned tuna for species identification. *Food control*, 18, 1211-1215.
- Chiang, H-C., Hsu, C-C., Wu, G.C-C., Chang, S-K., & Yang, H-Y. (2008). Population structure of bigeye tuna (*Thunnus obesus*) in the Indian Ocean inferred from mitochondrial DNA. *Fisheries Research*, 90, 305-312.
- Chow, S., Suzuki, N., Brodeur, R. D., & Ueno, Y. (2009). Little population structuring and recent evolution of the Pacific saury (*Cololabis saira*) indicated by mitochondrial and nuclear DNA sequence data. *Journal of Experimental Marine Biology and Ecology*, 369, 17-21.

- Cui, Z., Liu, Y., Li, C.P., You, F., & Chu, K.H. (2009). The complete mitochondrial genome of the large yellow croaker, *Larimichthys crocea* (Perciformes, Sciaenidae): Unusual features of its control region and the phylogenetic position of the Sciaenidae. *Gene*, 432, 33-43.
- Danzmann, R.G. (1998). MTDIS: A computer program to estimate genetic distance among populations based upon variation in single copy DNA. *Journal of Heredity*, 89, 283-284.
- Dawson, M.N., Raskoff, K.A., & Jacobs, D.K. (1998). Field preservation of marine invertebrate tissue for DNA analyses. *Molecular Marine Biology and Biotechnology*, 7, 145-152.
- Devor, E. J. (1996). *Molecular Applications in Biological Anthropology*. England: Cambridge University Press.
- Doosey, M.H., Bart, H., Saitoh, K., & Miya, M. (2010). Phylogenetic relationships of catostomid fishes (Actinopterygii: Cypriniformes) based on mitochondrial ND4/ND5 gene sequences. *Molecular Phylogenetics and Evolution*, 54, 1028-1034.
- Excoffier, L., Laval, G., & Schneider, S. (1992). Arlequin, version 3.0: An integrated software package for population genetic data analysis. *Evolution, Bioinformatics and Evolutionary Bioinformatics*, 1, 47-50.
- Excoffier, L., & Lischer, H. (inpress). Arlequin suit 3.5: anew series of programs to perform population genetics analyses under Linux and Window. *Molecular Ecology Resources*.
- Felsenstein, J. (2004). *PHYLIP (Phylogeny Inference Package)*. Department of Genome Sciences, University of Washington, Seattle.
- Hall, T.A. (1999). BioEdit: a user-friendly biological sequence alignment editor and analysis program for Window 95/98/NT. *Nucleic Acids Symposium Series*, 41, 95-98.
- Heiman, M. (1997). *Webcutter 2.0*. Retrieved June 25, 2008, from <http://www.ccsi.com/firstmarket/cutter/cut2.html>.
- Hillis, D.M., & Dixon, M.T. (1991). Ribosomal DNA: molecular evolution and phylogenetic inference. *The Quarterly Review of Biology*, 66, 441-453.

- Hilsdorf, A.W.S., Azeredo, A.M., Krieger, M.H., & Krieger, J.E. (2002). Mitochondrial DNA diversity in wild and cultured populations of *Brycon opalinus* (Cuvier, 1819) (Characiformes, Characidae, Bryconinae) from the Parai'ba do Sul Basin, Brazil. *Aquaculture*, 214, 81-91.
- Hoss, M., & Paabo, S. (1993). DNA extraction from Pleistocene bones by a siligca-based purification method. *Nucleic Acids Research*, 21, 3913-3914.
- Ishizaki, S., Yokoyama, Y., Oshiro, N., Teruya, N., Nagashima, Y., Shiomi, K., & Watabe, S. (2005). Molecular identification of pufferfish species using PCR amplification and restriction analysis of a segment of the 16S rRNA gene. *Comparative Biochemistry and Physiology*, 1, 139-144.
- Jonniaux, P., & Kumazawa, Y. (2007). Molecular phylogenetic and dating analyses using mitochondrial DNA sequences of eyelid geckos (Squamata: Eublepharidae). *Gene*, 407, 105-115.
- Klossa, K. E., Papasotiropoulos, V., Kiliass G., & Alahiotis, S. (2002). Authentication of Messolongi (Greece) fish roe using PCR-RFLP analysis of 16S rRNA mtDNA segment. *Food Control*, 13, 169-172.
- Kumagai, K., Barinova, A.A., Nakajima, M., & Taniguchi, N. (2004). Genetic diversity between Japanese and Chinese threeline grunt (*Parapristipoma trilineatum*) examine by microsatellite DNA markers. *Marine Biotechnology*, 6, 221-228.
- Kuriwa, K., Hanzawa, N., Yoshino, T., Kimura, S., & Nishida, M. (2007). Phylogenetic relationships and natural hybridization in rabbitfishes (Teleostei: Siganidae) inferred from mitochondrial and nuclear DNA analyses. *Molecular Phylogenetics and Evolution*, 45, 69-80.
- Lao, H.Y., Nie, P., Zhang, Y.A., Wang, G.T., & Yao, W.J. (2001). Molecular variation of *Bothriocephalus acheilognathi* Yamaguni, 1934 (Cestoda: Pseudophyllidea) in different fish host species based on ITS rDNA sequences. *Systematic Parasitology*, 52, 159-166.
- Mallat, J.M., & Sullivan, J. (1998). 28S and 18S rDNA sequence support the monophyly of lampreys and hag fishes. *Journal of Molecular Biology*, 15, 1706-1718.

- Martinez, J.G., Bescos, I., Sala, J.J.R., & Valera, F.R. (2000). RISSC: A novel database for ribosomal 16S-23S RNA gene spacer region. *Nucleic Acids Reseach*, 29, 178-180.
- McElroy, D., Moran, P., Bermingham, E., & Kornfield, I. (1992). The Restriction Enzyme Analysis Package (REAP). Version 4.0. *Journal of Heredity*, 83, 157-158.
- Meeker, N.D., Hutchinson, S.A., Ho, L., & Tredes, N.S. (2007). Method for isolation of PCR-ready genomic DNA from zebrafish tissues. *BioTechniques*, 43, 610-614.
- Mitsugu, M.Y., Masaki, U.M., & Nihida, M. (2003). Complete mitochondrial DNA sequence of the swimming crab, *Portunus trituberculatus* (Crustacea: Decapoda: Brachyura). *Gene*, 311, 129-135.
- Miya, M., & Nhishida, M. (1999). Organization of the mitochondrial genome of a deep-sea fish *Gonotoma gracile* (Teleostei: Stomiiformes): first example of transfer gene rearrangments in bony fishes. *Marine Biotechnology*, 1, 416-426.
- Miya, M., Saitoh, K., Wood, R., Nishida, M., & Mayden, R. L. (2006). New primer for amplifying and sequencing the mitochondrial ND4/ND5 gene region of the Cypriniformes (Actinopterygii: Ostariophysi). *Ichthyological Research*, 53, 75-81.
- Moyses, C.B., & Almeida, T.L.F. (2002). Restriction fragment length polymorphisms of mitochondrial DNA among five freshwater fish species of the genus *Astynax* (Pisces, Characidae). *Genetic and Molecular Biology*, 25, 401-407.
- Nelson, J. S. (1994). *Fishes of The World*. New York: John Wiley & Sons.
- Page, R.D.M. (1996). TREEVIEW: An application to display phylogenetic trees on personal computers. *Computer Application in the Biosciences*, 12, 357-358.
- Palumbi, S., Martin, A., Romano, S., MacMillan, W.O., Stice, L., & Grabowski, G. (1991). *The Simple fool's Guide to PCR*. University of Hawaii Press, Honolulu, Hawaii.
- Patanello, T., Bargelloni, L., Caldara, F., & Columbo, L. (1994). Cytochrome *b* and 16S rRNA sequence variation in the *Salmon trutta* (Salmonidae, Teleostei) species complex. *Molecular phylogenetics and evolution*, 3, 69-47.
- Pusan National University, Microbial Genetics Lab. (2008). *pGEM-T Easy Vector (TA-Cloning)*. Retrieved June 1, 2009, from http://genelab.microbio.pusan.ac.kr/zbxe/protocol/files/attach/images/104/8778/pGEM-T_Easy.gif.

- Reiss, R.A., Schwert, D.P., & Ashworth, A.C. (1995). Field preservation of coleoptera for molecular genetic analyses. *Environmental Entomology*, 24, 716-719.
- Rozen, S., & Skaletsky, H.J. (2000). Primer3 on the WWW for general users and biologist programemmers. In Krawez, S., & Misener, S. (Eds.), *Bioformatics Methods and Protocols: Methode in Molecular Biology* (pp. 365-386) Humana Press, Totowa, NJ.
- Saitoh, K., Sado, T., Mayden, L.R., Hanzawa, N., Nakamura, K., Nishida, M., & Miya, M. (2006). Mitogenomic evolution and interrelationships of the Cypriniformes (Actinopterygii: Ostariophysi): the first evidence toward resolution of higher-level relationships of the world's largest freshwater fish clade based on 59 whole mitogenome sequences. *Journal of Molecular Evolution*, 63, 826-841.
- Santini, S., & Polacco, G. (2006). Finding Nemo: Molecular phylogeny and evolution of the unusual life style of anemonefish. *Gene*, 385, 19-27.
- ScienceBiotech, Bioteknologi untuk Semua. (2008). *Mengenal PCR (Polymerase Chain Reaction)*. Retrieved August 14, 2008, from <http://sciencebiotech.net/mengenal-pcr-polymerase-chain-reaction/>.
- Seutin, G., White, B.N., & Boag, P.T. (1991). Preservation of avian blood and tissue samples for DNA analyses. *Canadian Journal of Zoology*, 69, 82-90.
- Singh, P., Kumar, R., Nagpure, N.S., Shasapy, A.K., Lakra, W.S., Kushawaha, B., & Srivastava, S.K. (2007). An integrated approach for genetic characterization of an endemic fish *Pristolepus fasciatus* using conventional and molecular tools. *Aquaculture*, 272, S310.
- Sonnenberg, R., Nolte, W. A., & Tautz, D. (2007). An evaluation of LSU rDNA D1-D2 sequences for their use in species identification. *Frontiers in Zoology*, 4, 1-12.
- Stothard, J.R., Hughes, S., & Rollinson, D. (1996) Variation within the internal transcribed spacer (ITS) of ribosomal DNA genes of intermediate snail hosts within the genus *Bulinus* (Gastropoda: Planorbidae). *Acta Tropica*, 61, 138-146.
- Sun, H.Y., Zhu, X.Q., Xie, M.Q., Lin, R.Q., & Song, H.Q. (2006). Characterization of *Cryptocaryon irritans* isolates from marine fish in Mainland China by ITS ribosomal DNA sequences. *Parasitology Research*, 99, 160-166.
- Swofford, D.L. (2002). *PAUP* Phylogenetic Analysis Using Pasimony (* and other methods)*. Version 4 Sinauer Associates, Sunderland, Massachusetts.

- Timm, J., Figiel, M., & Kochzius, M. (2008). Contrasting patterns in species boundaries and evolution of anemonefishes (Amphiprioninae, Pomacentridae) in the centre of marine biodiversity. *Molecular Phylogenetics and Evolution*, 49, 268-276.
- Vogler, A.P., & Desalle, R. (1994). Evolution and phylogenetic information content of the ITS-1 region in tiger beetle, *Cicindela dorsalis*. *Molecular phylogenetics and Evolution*, 11, 393-405.
- Wang, X., Ma, Y.H., Chen, H., & Guan, W.J. (2007). Genetic and phylogenetic studies of Chinese sheep breeds (*Ovis aries*) based on mtDNA D-loop sequences. *Small Ruminant Research*, 72, 232-236.
- Wanna, W., Chotigret, W., & Phongdara, A. (2006). Sequence variations of the first ribosomal internal transcribed spacer of *Penaeus* species in Thailand. *Journal of Experimental Marine Biology and Ecology*, 331, 64-73.
- Weiss, S., Schlotterer, C., Waidbacher, H., & Jungwirth, M. (2001). Haplotype (mtDNA) diversity of brown trout *Salmo trutta* in tributaries of the Austrian Danube: massive introgression of Atlantic basin fish-by man or nature?. *Molecular Ecology*, 10, 1241-1246.
- Wolf, C., Burgener, M., Hubner, P., & Luthy, J. (2000). PCR-RFLP Analysis of mitochondrial DNA: Differentiation of fish species. *Lebensmittel-Wissenschaft und-Technologie*, 33, 144-150.
- Wolf, C., Rentsch, J., & Hubner, P. (1999). PCR-RFLP analysis of mitochondrial DNA: a reliable method for species identification. *Journal Agriculture Food Chemistry*, 7, 1350-1355.
- Worheide, G., Nichols, S.A., & Goldberg, J. (2004). Intragenomic variation of the rDNA internal transcribed spacers in sponges (Phylum Porifera): implications for phylogenetic studies. *Molecular Phylogenetics and Evolution*, 33, 816-830.
- Yue, G.H., & Orban, L. (2001). Rapid isolation of DNA from fresh and preserved fish scales for polymerase chain reaction. *Marine. Biotechnology*, 3, 199-204.
- Zhu, X.Q., Amelio, S., Hu, M., Paggi, L., & Gasser, R.B. (2001). Electrophoretic detection of population variation within *Contracaecum ogmorhini* (Nematoda: Ascaridoidea: Anisakidae). *Electrophoresis*, 22, 1930-1934.

Zhu, X.Q., Amelio, S., Paggi, L., & Gasser, R.B. (2000). Assessing sequence variation in the internal transcribed spacers of ribosomal DNA within and among members of the *Contraecum osculatum* complex (Nematoda: Ascaridoidea: Anisakidae). *Parasitology Research*, 86, 677-683.

มหาวิทยาลัยบูรพา
Burapha University